

平成30年10月1日
発売開始!

GENETYX[®]-MAC Ver.20

遺伝情報処理ソフトウェア / Macintosh 版

■ 追加、改良された項目

- macOS Catalina v10.15 対応
- 次世代シーケンサー対応機能
 - De novo Assembly MIRA の追加
 - ・MIRA を使用した de novo assembly が可能になりました。
 - 発現量解析機能の追加
 - ・マッピングの結果を元に発現量解析（正規化）が可能になりました。
 - 解析履歴機能の追加
 - ・保存された過去の解析パラメータを元に再解析が可能になりました。
- ホモロジー解析
 - NCBI BLAST の改良
 - ・10 本まで並列検索が可能になりました。
 - ・Discontiguous megablast 検索と Quick Blastp 検索を追加しました。
 - ゲノム編集機能の追加
 - ・CRISPR / Cas9 ガイド RNA 設計支援機能を追加しました。
 - Local BLAST 機能の改良
 - ・Local BLAST のダイアログから直接ディビジョンに登録が可能になりました。
 - アノテーション転記機能の追加
 - ・ゲノムのアノテーション情報をコンティグ配列に転記が可能になりました。
 - ホモロジー検索の改良
 - ・検索結果をマルチプルアライメント風に表示が可能になりました。
- 配列エディタ
 - 配列エディタとマップ表示の連動
 - ・配列エディタとマップが連動可能になりました。
- マルチプルアライメント
 - 解析履歴機能の追加
 - ・マルチプルアライメントの解析結果と解析条件の保存・表示が可能になりました。
 - 系統樹 最尤法の追加 ※別途インターネットで入手する必要があります。
 - ・RAxML を使用した最尤法による系統樹の構築が可能になりました。
 - 系統樹 PHYLIP による解析
 - ・最尤法、節約法、距離行列法の選択肢が増えました。
- 核酸配列解析
 - Primer3 Ver.2 機能の追加 ※別途インターネットで入手する必要があります。
 - ・これまでの Ver.1.1.4 に加え、Ver.2 が利用可能になりました。
- ライセンス認証
 - インターネットによるライセンス認証
 - ・インストール後インターネットによるライセンス認証を行うようになりました。

■ バージョンアップ価格（製品申込書にてお申し込みください）

- GENETYX-MAC(Ver.19) をお持ちのお客様

¥38,000.- (税別)

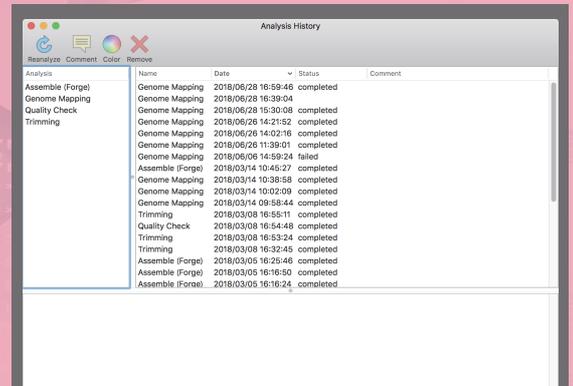
- GENETYX-MAC(Ver.18) 以前をお持ちのお客様

¥58,000.- (税別)

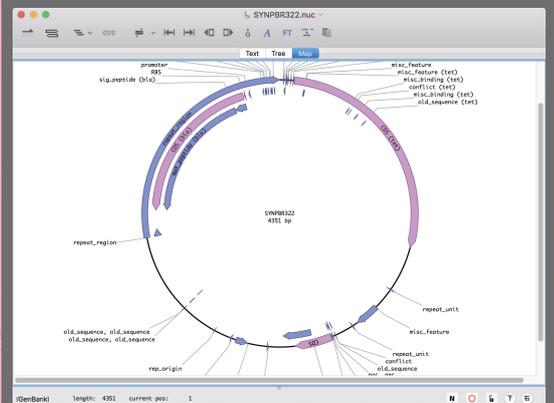
※ご購入時にご登録いただきましたご登録情報とソフトウェアのシリアル番号が必要です。

■ DEMO 版 2018 年 10 月 1 日より取得可能

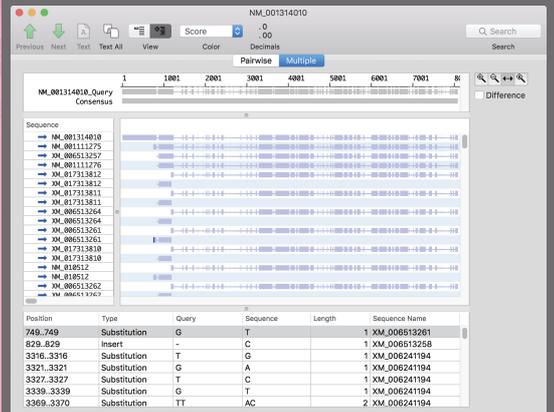
- URL https://www.genetyx.co.jp/products/download/genety_mac_20_demo



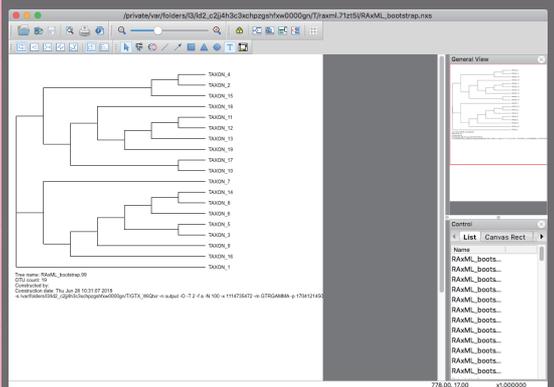
次世代シーケンサー対応機能（解析履歴）



配列エディタ



マルチプルアライメント

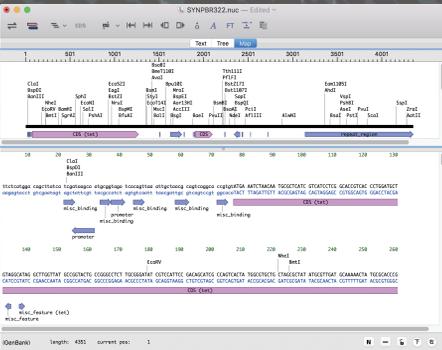


分子進化系統樹（RAxML）

GENETYX-MAC (Ver.20) の主な機能

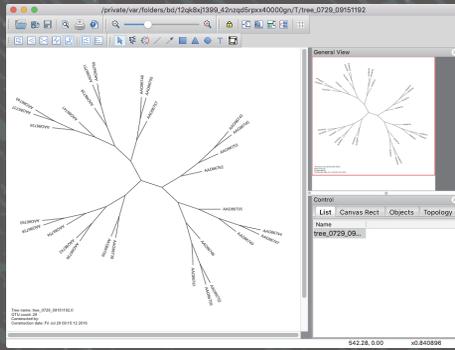
製品の詳細は HP または製品カタログをご覧ください

● 配列エディタ



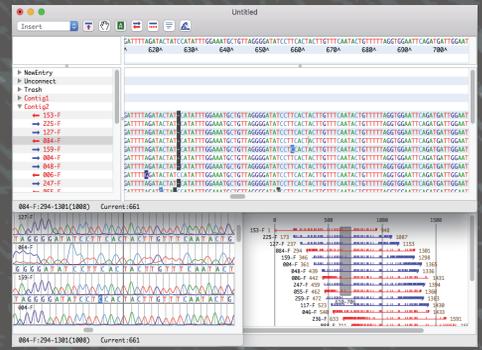
シーケンスの入力・編集を行うことができ、マップと連動しフィーチャーの情報を表示できます

● 系統樹



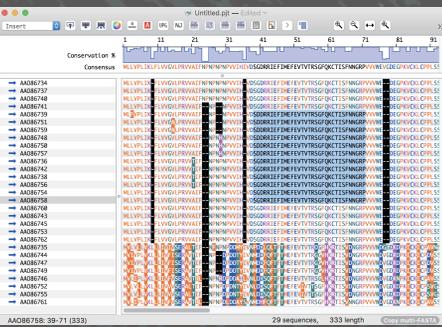
最尤法、節約法、距離行列法にて系統樹を表示できます
Newick 形式の結果から系統樹の描画もできます

● シーケンスアセンブラ



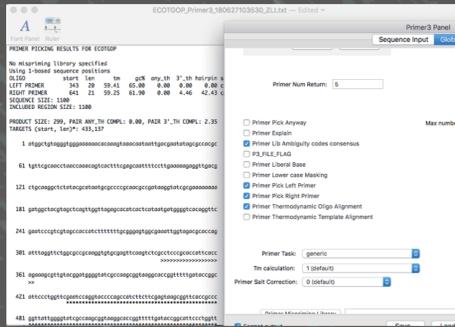
アライメント画面・波形画面・コンティグ画面を連動し、表示・編集ができます

● 並列エディタ



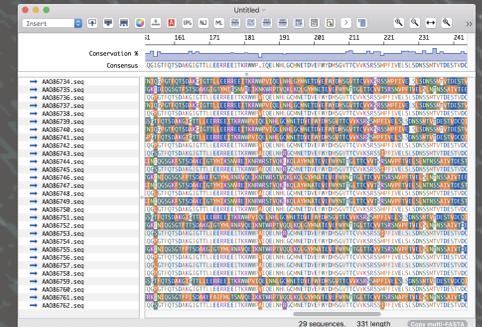
複数本の配列を並列に表示・編集を行うことができ、任意のカラーで表示できます

● Primer3



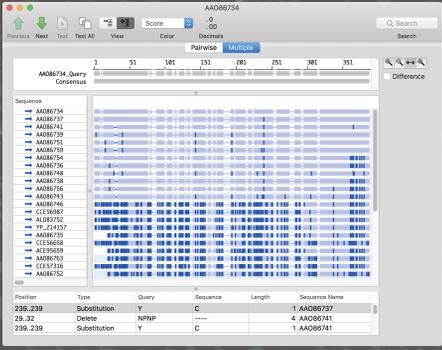
これまでの ver.1.1.4 に加えて、Primer3 の ver.2 をサポートします

● マルチプルアライメント



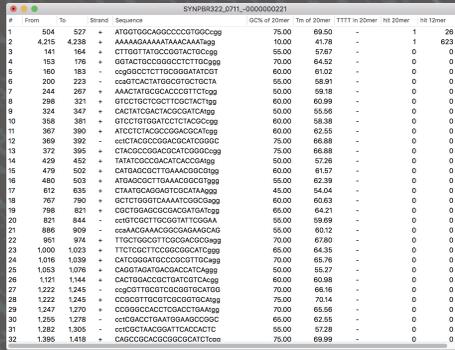
ClustalW・Muscle・MAFFT を使ったマルチプルアライメントを行うことができます

● ホモロジー検索



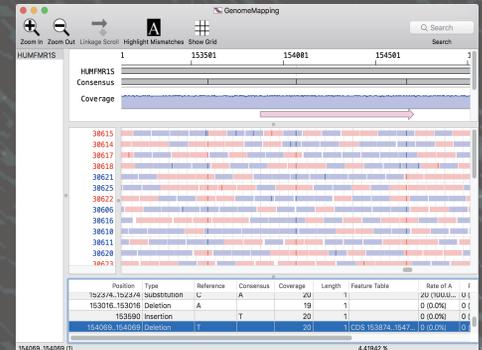
ホモロジー検索結果をマルチプルアライメント風に表示できます
ホモロジーの全体像が把握しやすくなります

● ゲノム編集機能



CRISPR / Cas9 ガイド RNA 設計支援を行うことができます

● 次世代シーケンサー対応機能



マッピング、De novo Assembly を行うことができます

■ 動作環境

対応機種	macOS High Sierra v10.13 以上が動作する IntelMac シリーズ
対応 OS	macOS High Sierra v10.13 以上
メモリ	2GB 以上 (推奨 4GB 以上)
HDD 容量	1GB 以上の空き容量
ハードウェア	光学ドライブ (インストール時に利用します)
その他	本製品のご使用にはインターネットによるライセンス認証が必要

GENETYX URL <https://www.genetyx.co.jp/>

*会社名・製品名は各社の商標または登録商標です。
*記載事項は機能改良のため予告なく変更することがあります。

株式会社 ゼネティックス

取 扱 店

本 社 〒150-0002 東京都渋谷区渋谷3丁目8番12号 TEL 03(3406)3241(大代表)
E-mail:eigyou@genetyx.co.jp FAX 03(3406)4881

大阪支店 〒532-0011 大阪市淀川区西中島6丁目7番8号 TEL 06(6304)2371(大代表)
E-mail:osaka@genetyx.co.jp FAX 06(6304)1086