



GENETYX[®]-MAC Ver.22

2022年11月1日 発売開始!

遺伝情報処理ソフトウェア「GENETYX-MAC(Ver.22)」リリースのご案内

★ バージョンアップ価格

GENETYX-MAC(Ver.21) をお持ちの方 **¥48,000.-** (税込価格¥52,800.-)

GENETYX-MAC(Ver.20) 以前をお持ちの方 **¥68,000.-** (税込価格¥74,800.-)

※現在ご利用中のソフトウェアのシリアル番号とご登録情報が必要。

★ 追加購入価格

GENETYX 製品をお持ちの方 **¥150,000.-** (税込価格¥165,000.-)

※同一名義人様が対象。 GENETYX・GENETYX-MAC どちらをお持ちでも購入可能。現在ご利用中のソフトウェアのシリアル番号とご登録情報が必要。

★ お申込み方法

同封の「GENETYX 製品申込書」をメール、または FAX にてお申込みください。

★ デモ版取得先 (2022年11月1日より取得可能)

URL:https://www.genetyx.co.jp/products/download/genetyx_mac_22_demo/

★ 対応 OS

macOS Ventura※・ Monterey・
Big Sur (Apple Silicon / Intel)

※ OS リリース後対応

	Ver.22	Ver.21	Ver.20
macOS Ventura	○	×	×
macOS Monterey	○	○	×
macOS Big Sur	○	○	×

★ 新機能のご紹介

次世代シーケンサー対応機能

Magic-BLAST 検索

Magic-BLAST によるマッピングに対応しました。

※Magic-BLAST は、ゲノムやトランスクリプトーム全体に対して NGS シーケンズデータをマッピングするためのツールです。また、RNA-seq のマッピングにも対応しています。

De novo Assembly (MEGAHIT)

MEGAHIT を使用した De novo Assembly 解析を行います。

BAM ファイル指定発現量解析

入力元として BAM/SAM ファイルを直接指定して発現量解析を行います。

アミノ酸翻訳変異解析

マッピング結果より、変異がアミノ酸翻訳に与える影響を解析します。

トリミング機能の高速化

並列化に対応してトリミング処理を高速化しました。

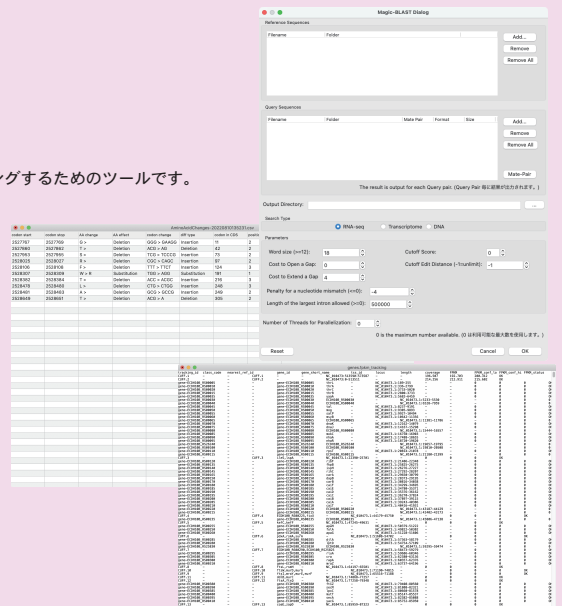
プロジェクトファイル保存・読込の高速化

並列化及び最適化を行いプロジェクトファイルの保存・読込処理が高速化しました。

NGS 解析時間

対象データ
計測環境

参照配列: 大腸菌ゲノム 4.6 Mbp カバレッジ: 20x
◎ iMac 2020 (i7-10700K, 64GB, SSD 256GB)
Genome Mapping: 19秒 Assemble (MIRA): 15分00秒
◎ Mac mini (M1, 16GB, SSD256GB)
Genome Mapping: 27秒 Assemble (MIRA): 18分38秒



NGS 詳細情報は

こちらから



※ハードディスク容量: 断片配列のサイズ×参照配列数の容量が必要。
対象データ・計測環境により所要時間は変わります。

パラレルエディタ

Parallel Editor 翻訳表示機能

Parallel Editor に翻訳表示が可能になりました。

配列検索機能強化

配列と配列の間に Gap がある場合の検索に対応しました。

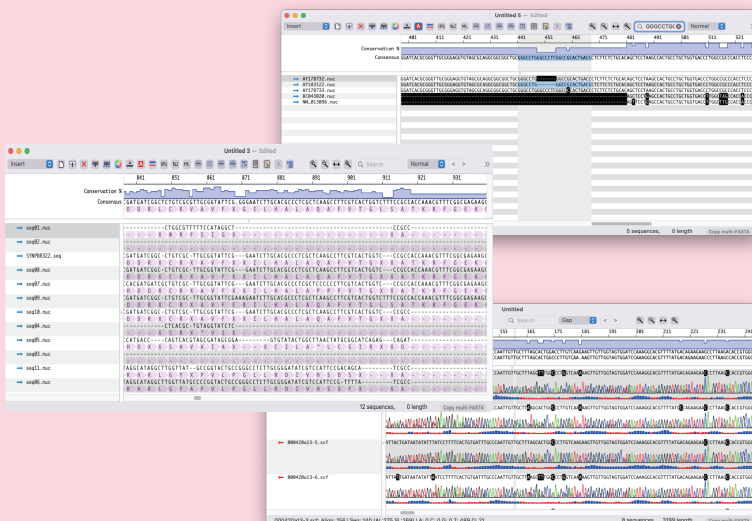
クエリ配列のマッピング機能の追加

リファレンス配列に対しクエリ配列のマッピングを可能になりました。

異なる箇所を強調表示することができます。

クエリ配列に波形データを指定すると波形を表示可能です。

配列の編集も可能です。



核酸配列解析

コドン最適化機能

Condon, A. and Thachuk, C の方法により、指定された望ましいモチーフを可能な限り多く、望ましくないモチーフを可能な限り少なく、かつ、CAI (Codon Adaptation Index) が可能な限り 1.0 に近づくようにコドンを最適化します。モチーフが指定されなかった場合は、全てのコドンをもっとも頻繁に使用されるコドンに置き換えます。

原核生物の遺伝子予測機能追加

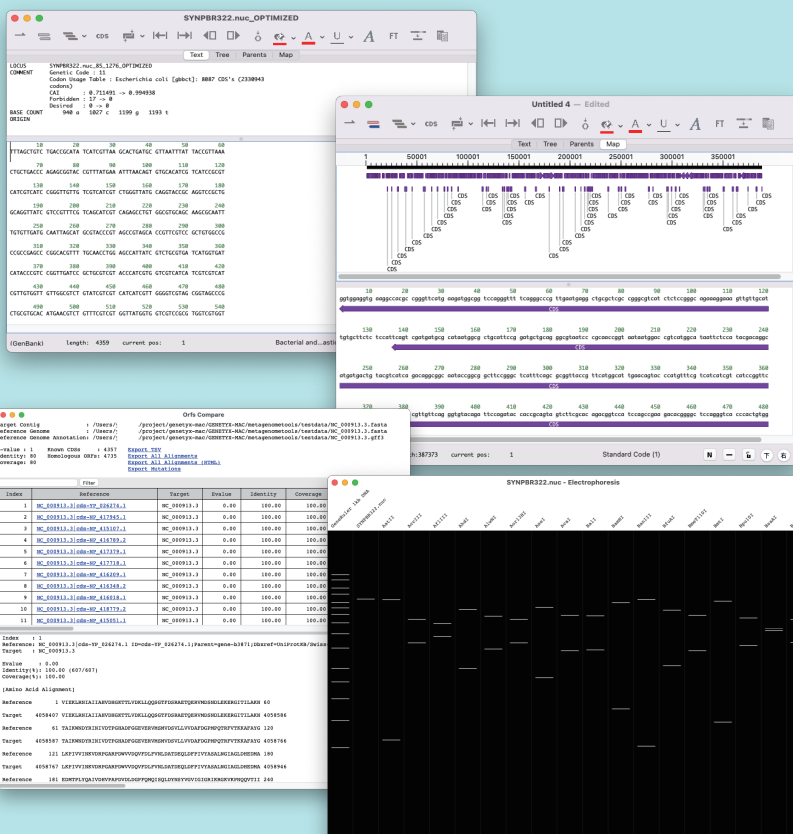
Prodigalによる原核生物の遺伝子予測を行います。

原核生物の ORF 比較機能予測機能追加

原核生物の contig データから ORF を抽出し、既存のゲノムとアノテーション情報を用いて ORF と既知の遺伝子の比較結果の一覧を表示します。

電気泳動シミュレーション機能

電気泳動シミュレーション機能を追加しました。

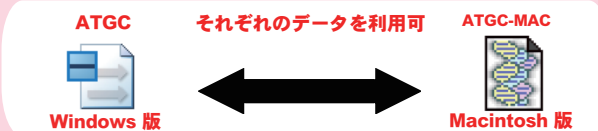


シーケンスアSEMBラー

プロジェクトファイル形式の共通化

ATGC-MAC で作成したプロジェクトファイルを ATGC で開いたり、その逆を行うことができます。

※Windows版の旧バージョンで作成したプロジェクトファイルはWindows版のみ対応
Macintosh版の旧バージョンで作成したプロジェクトファイルはMacintosh版のみ対応



★ ライセンスの追加、ネットワーク版も好評発売中

商品の詳細・価格につきましては弊社 HP をご覧ください。

GENETYX URL <https://www.genetyx.co.jp/>

*会社名・製品名は各社の商標または登録商標です。
*記載事項は機能改良のため予告なく変更することがあります。

株式会社 ゼネティックス

本社 〒150-0002 東京都渋谷区渋谷3丁目8番12号 TEL 03(3406)3241(大代表)
E-mail: eigyou@genetyx.co.jp FAX 03(3406)4881

大阪支店 〒532-0011 大阪市淀川区西中島6丁目7番8号 TEL 06(6304)2371(大代表)
E-mail: osaka@genetyx.co.jp FAX 06(6304)1086

取扱店