

NEW

GENETYX-MAC[®] Ver.23

2024 年 12 月 2 日 リリース

デモ版ホームページにて公開 リリース後ダウンロード可能

★バージョンアップ価格

GENETYX-MAC (Ver.22) をお持ちの方

¥58,000.- (税込価格¥63,800.-)

GENETYX-MAC (Ver.21) 以前をお持ちの方

¥78,000.- (税込価格¥85,800.-)

※現在ご利用中のソフトウェアのシリアル番号とご登録情報が必要。

★追加購入価格

GENETYX 製品をお持ちの方

¥150,000.- (税込価格¥165,000.-)

※同一名義人様が対象。 GENETYX ・ GENETYX-MAC どちらをお持ちでも購入可能。現在ご利用中のソフトウェアのシリアル番号とご登録情報が必要。

★対応 macOS

Sequoia ・ Sonoma ・ Ventura

★お申し込み方法

同封の「 GENETYX 製品申込書 」をメールにてお申し込みください。

※見積・納品・請求書と一緒に商品をお送りいたします。

新機能のご紹介

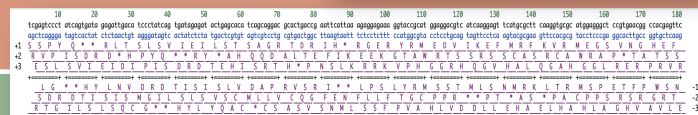
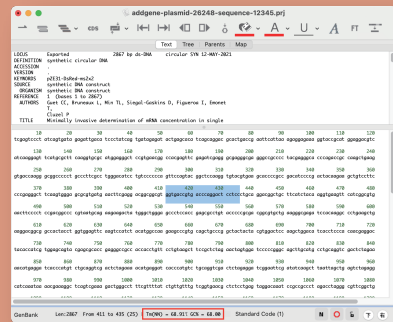
配列エディタ

選択範囲の Tm 値と GC % の表示

配列エディタ上で選択した範囲の Tm 値と GC % をインジケータ
に表示ができるようになりました。(選択範囲が 10 bp 以上 100 bp 以下の場合)

アミノ酸翻訳時にコドンに下線

配列エディタのアミノ酸翻訳表示時にコドンに下線が引けるようになりました。



制限酵素解析

制限酵素表示形式のプリファレンス設定

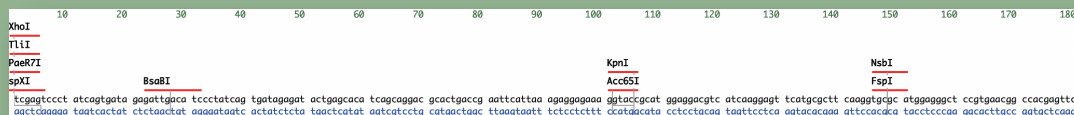
制限酵素表示形式をプリファレンスで設定できるようになりました。

切断部位に制限酵素名を表示する形式、認識部位に制限酵素名を表示し赤線を引き切断位置を線分で
表示する形式、2本鎖表示に常に制限酵素切断パターン表示する形式が選択可能です。

また、1本鎖表示であっても制限酵素名をクリックすると認識部位を灰色に表示するようにしました。

Unique Cutter / All に加え Customize... により、切断数の条件を指定して

制限酵素を表示することが可能になりました。



次世代シーケンサー対応機能

メタゲノム解析 (QIIME 2, PICRUST 2) ▲

次世代シーケンスで得られた 16 S rRNA データから、
菌叢の遺伝子機能を予測および $\alpha \cdot \beta$ 多様性解析を行います。

NGS の詳しい情報は
こちらから ↓



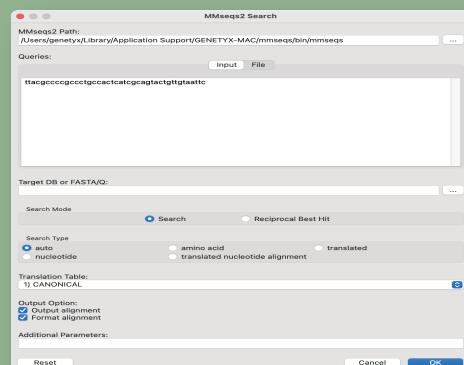
配列の相同性解析

MMseqs2 の相同性検索機能

Reciprocal Best Hit を求めることができます。
また、公共データベースからデータベースをダウンロードすることもできます。

BLAST 用データベース作成機能

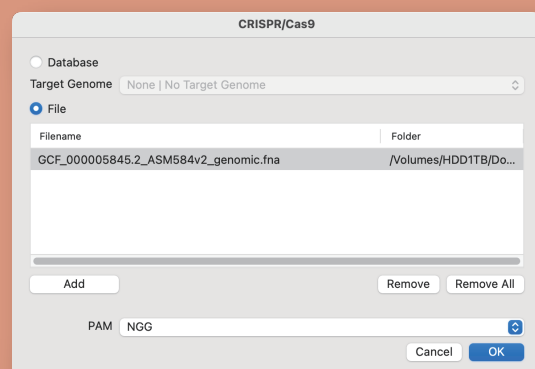
作成したデータベースは GENETYX の Local Blast
検索の検索対象として利用できます。



核酸配列解析

ゲノム編集機能 CRISPR / Cas 9 ガイド RNA 設計支援

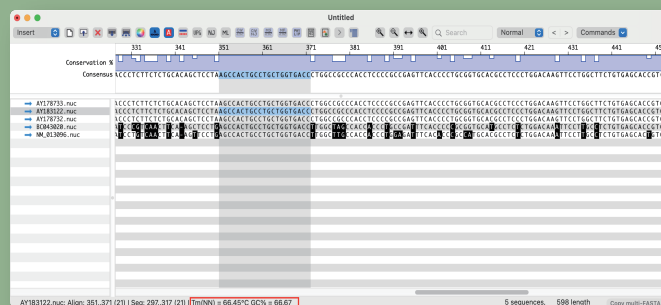
ターゲットゲノム配列ファイルの指定ができるようになりました。
ユーザー指定のゲノム配列に対し特異性の確認を行うことができます。(完全一致のみ)



パラレルエディタ

選択範囲の Tm 値と GC % の表示

パラレルエディタ上で選択した範囲の Tm 値と GC % を
インディケーターに表示できるようになりました。
(選択範囲が 10 bp 以上 100 bp 以下の場合)



◆ ライセンスの追加、ネットワーク版も好評発売中

商品の詳細・価格につきましては弊社ホームページをご覧ください。

GENETYX URL <https://www.genetyx.co.jp/>

*会社名・製品名は各社の商標または登録商標です。
*記載事項は機能改良のため予告なく変更することがあります。

株式会社 日本サーバ

本 社 〒150-0002 東京都渋谷区渋谷3丁目8番12号
E-mail: eigyout@genetyx.co.jp

大阪支店 〒532-0011 大阪府淀川区西中島6丁目7番8号
E-mail: osaka@genetyx.co.jp

取 扱 店