

NEW GENETYX[®] Ver.18

2025 年 12 月 1 日 リリース **Windows 11 に対応**

遺伝情報処理ソフトウェア「GENETYX Ver.18」リリースのご案内

デモ版: https://www.genetyx.co.jp/products/download/genetyx_18_demo

◆バージョンアップ価格

※ 2025年12月1日から

GENETYX Ver.17 をお持ちの方 **¥58,000.-** (税込価格¥63,800.-)

GENETYX Ver.16 以前をお持ちの方 **¥78,000.-** (税込価格¥85,800.-)

※現在ご利用中のソフトウェアのシリアル番号とご登録情報が必要。

◆追加購入価格

GENETYX 製品をお持ちの方 **¥150,000.-** (税込価格¥165,000.-)

※同一名義人様が対象。GENETYX・GENETYX-MAC どちらをお持ちでも購入可能。現在ご利用中のソフトウェアのシリアル番号とご登録情報が必要。

◆対応 OS

Microsoft Windows 11

◆お申し込み方法

同封の「GENETYX製品申込書」を FAX またはメールにてお申し込みください。

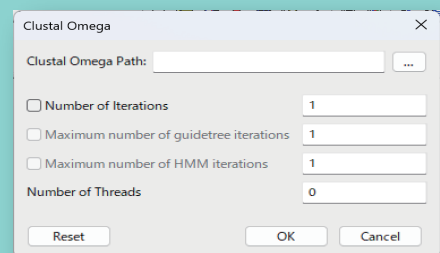
※見積・納品・請求書と一緒に商品をお送りいたします。

新機能のご紹介

マルチプルアライメント

Clustal Omega

Clustal Omega によるマルチプルアライメント機能を追加しました。



次世代シーケンサー対応機能

メタゲノム解析 (QIIME 2, PICRUSt2) ▲

次世代シーケンスで得られた 16S rRNA データから、

菌叢の遺伝子機能を予測および α ・ β 多様性解析を行います。

ゲノムマッピング解析結果のアウトライン表示

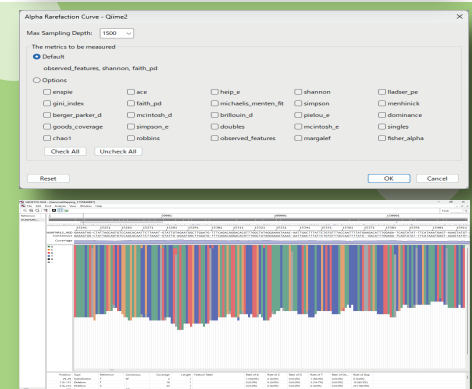
マッピング結果をカバレッジで簡易表示して負荷を軽減します。

低倍率時には組成表示が可能です。

De novo Assembly MEGAHIT

MEGAHIT を使用して、次世代シーケンサーから出力された

微生物に由来する断片配列の De novo Assembly を行います。



NGS の詳しい情報
はこちらから ↓



配列の相同性解析

MMseqs2 による相同性検索機能

Reciprocal Best Hit を求めることができます。

セカンドピーク検出機能

波形データにおいて二番目に高いピークを読み取り表示します。

クエリ配列のフィルタ機能(Local BLAST)

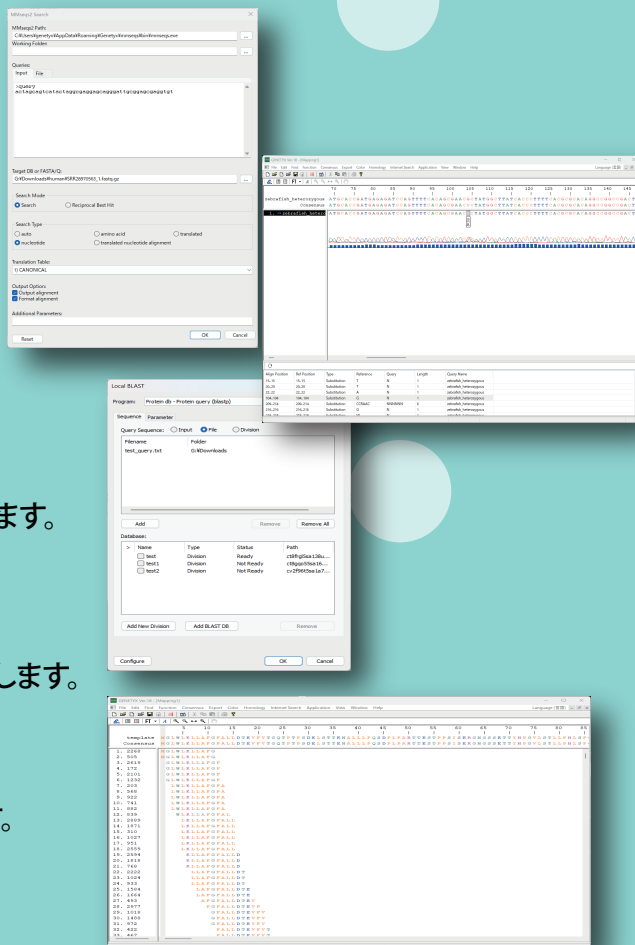
与えられたクエリ配列を Local BLAST の結果に基づきフィルタします。

Local BLAST の結果、クエリー全長と 100% 一致する配列が

指定されたデータベースに存在しない場合、そのクエリーを出力します。

アミノ酸配列のマッピング

アミノ酸配列のリファレンス配列に対してマッピングを行います。



核酸配列解析

ゲノム編集機能 CRISPR / Cas9 ガイド RNA 設計支援

PAMを含む標的配列内に認識部位を持つ制限酵素名の

表示機能を追加しました。

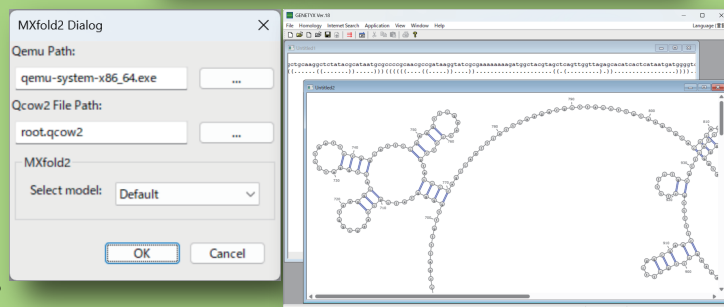
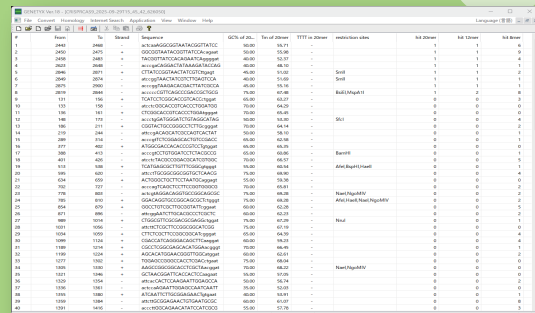
MXfold2 による RNA 二次構造予測

MXfold2 を用いて RNA の二次構造予測を行います。

MXfold2 は、従来用いられてきた熱力学モデルと

deep learning を組み合わせることによって、

高精度かつ頑健な RNA 二次構造予測を行う手法です。



◆ **ライセンスの追加、ネットワーク版も好評発売中**

商品の詳細・価格につきましては弊社ホームページをご覧ください。

GENETYX URL <https://www.genetyx.co.jp/>

*会社名・製品名は各社の商標または登録商標です。
*記載事項は機能改良のため予告なく変更することがあります。

株式会社 日本サーバ

本社 〒150-0002 東京都渋谷区渋谷3丁目8番12号
E-mail: eigyou@genetyx.co.jp

大阪オフィス 〒532-0011 大阪市淀川区西中島6丁目7番8号
E-mail: osaka@genetyx.co.jp

取 扱 店